

بررسی تنوع ژنتیکی برخی از لاین‌های خیار با استفاده از صفات مورفولوژیکی از طریق تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و تجزیه خوشه‌ای

فاطمه مرادی پور^۱، جمالعلی الفتی^{۲*}، یوسف حمیداوغلی^۳، عاطفه صبوری^۴ و بهمن زاهدی^۵

۱- دانش آموخته دکتری علوم باغبانی، پردیس دانشگاهی، دانشگاه گیلان، رشت، ایران

۲- *نویسنده مسئول: استادیار، گروه علوم باغبانی، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان، رشت، ایران (jamalaliolfati@gmail.com)

۳- دانشیار، گروه علوم باغبانی، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان، رشت، ایران

۴- استادیار، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان، رشت، ایران

۵- استادیار، گروه علوم باغبانی، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه شهر کرد، شهر کرد، ایران

تاریخ دریافت: ۱۳۹۴/۰۶/۱۸

تاریخ پذیرش: ۱۳۹۵/۰۴/۰۹

چکیده

شناسایی و جمع‌آوری ژنوتیپ‌های برتر محصولات باغی اولین گام در برنامه‌های اصلاحی به شمار می‌رود. در کشور ما به دلیل عدم شناخت کافی از ژرم پلاسما گیاهان باغی، برنامه‌های اصلاحی مناسبی روی محصولات باغی خصوصاً خیار انجام نشده است. هدف این تحقیق، گروه‌بندی ژنوتیپ‌های خیار، بر اساس صفات مورفولوژیکی و تعیین فواصل ژنتیکی آن‌ها می‌باشد. به همین منظور، ۲۵ لاین خیار برای ۲۵ صفت مورفولوژیکی با استفاده از روش تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و تجزیه خوشه‌ای مورد ارزیابی قرار گرفتند. در تجزیه به مؤلفه‌های اصلی دوازده مؤلفه اول ۸۸ درصد از کل واریانس متغیرها را توجیه نمودند، که سهم هر کدام از دوازده مؤلفه اول به ترتیب ۱۷/۹۷، ۱۲/۲۵، ۱۱/۴۵، ۸/۷۴، ۷/۵۲، ۶/۱۲، ۵/۱۳، ۴/۵۳، ۴/۲۹، ۳/۷۷، ۳/۴۴ و ۲/۸۶ درصد بود. در تجزیه خوشه‌ای از روش فاصله اقلیدسی و الگوریتم متوسط فاصله بین گروه‌ها (UPGMA) برای گروه‌بندی کل لاین‌ها استفاده شد. بر اساس نتایج به دست آمده کل لاین‌ها در هفت گروه مجزا جا گرفتند و ضریب کوفتتیک ۰/۸۴ بود. نتایج حاکی از تنوع ژنتیکی زیاد بین لاین‌های مورد بررسی بود که از این تنوع جهت هتروزیس و انتخاب والدین مناسب در برنامه‌های تلاقی به منظور تولید ارقامی باصفات مطلوب می‌توان استفاده نمود.

کلید واژه‌ها: اصلاح خیار، ضریب کوفتتیک، فاصله اقلیدسی

مقدمه

دیرینه کشت و کار این محصول در ایران و با توجه به سطح زیرکشت وسیع خیار و توان بالقوه تولید این محصول در کشور، تحقیقات به‌نژادی کمی در رابطه با اصلاح این محصول صورت گرفته است و ما سالانه بذر مورد نیازمان را از کشورهای دیگر تأمین می‌کنیم. بنابراین لازم است که در زمینه اصلاح این گیاه اقدامات عملی و کاربردی مفیدی صورت پذیرد. بررسی میزان تنوع ژنتیکی به‌عنوان یکی از گام‌های پایه‌ای و اساسی در نگهداری و حفاظت مواد ژنتیکی و اجرای برنامه‌های به‌نژادی است. بدیهی است که داشتن اطلاعات کامل از

یکی از اهداف بزرگ دولت در بخش کشاورزی، تأمین و خودکفایی کشور از نظر تولید بذر هیبرید است. خیار یکی از محصولات مهم باغبانی در بخش سبزیکاری است، که به منظور تازه‌خوری و فرآوری کشت می‌شود. کشور ما ایران از لحاظ تولید این محصول جایگاه دوم جهان را داراست. سطح زیرکشت خیار در ایران بر اساس گزارش سازمان خوار و بار جهانی حدود ۷۵ هزار هکتار، تولید آن ۱۸۱۲ هزار تن و متوسط عملکرد آن ۲۴ تن در هکتار می‌باشد (FAO, 2013). علی‌رغم سابقه

شاخه فرعی، ارتفاع گیاه، تعداد گره، فاصله میانگره‌ها، طول و پهنای برگ، قطر میوه و طول میوه مورد بررسی قرار گرفتند. نتایج نشان داد که اختلاف معنی‌داری بین ژنوتیپ‌های مختلف از نظر صفات مورفولوژیکی وجود دارد. هم‌چنین بر اساس نتایج حاصل از تجزیه خوشه‌ای ژنوتیپ‌ها در چهار گروه دسته‌بندی شدند.

Rajiv-Krishna *et al.* (2011) برای تعیین تنوع

ژنتیکی بین ۱۳ ژنوتیپ خیار با منشا جغرافیایی متفاوت ژنوتیپ‌ها را از نظر نوزده صفت مورفولوژیکی مانند عملکرد گل، تعداد میوه در بوته، تعداد گل نر در هر گره، تعداد گل ماده در هر گره، زمان ظهور اولین گل ماده و نر، قطر میوه، طول میوه، تعداد شاخه فرعی و طول بوته مورد بررسی قرار دادند. نتایج نشان داد که ژنوتیپ‌های مورد بررسی از نظر تمام صفات مورفولوژیکی اختلاف معنی‌دار با هم داشتند و بر اساس تجزیه خوشه‌ای کل ژنوتیپ‌ها در شش دسته قرار گرفتند.

Chi Zhang *et al.* (2012) در یک تحقیق نه لاین

اینبرد خیار را از نظر ۳۳ صفت کمی و کیفی با استفاده از روش تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و تجزیه کلاستر مورد بررسی قرار دادند. بر اساس این دو روش لاین‌های مورد نظر در سه گروه دسته‌بندی شدند. لاین‌های مورد بررسی از نظر ژنتیکی اختلاف معنی‌داری با هم نشان دادند.

همان‌گونه که مشخص است بررسی تنوع ماده ژنتیکی برای شروع هر برنامه اصلاحی ضروری است از این رو در این تحقیق، سعی شده با مطالعه ژنوتیپ‌های مختلف خیار، میزان تنوع ژنتیکی آن‌ها از لحاظ صفات کمی و کیفی بررسی گردد تا در وهله اول میزان تشابه و فاصله آن‌ها از نظر ژنتیکی مشخص گردد، سپس در صورت اثبات وجود تنوع ژنتیکی کافی در صفات مورد مطالعه، از نتایج آن در برنامه‌های اصلاحی آینده استفاده گردد.

مواد و روش‌ها

مواد گیاهی مورد استفاده در این مطالعه ۲۵ لاین اینبرد خیار بودند که از مرکز آسیایی تحقیقات و اصلاح سبزیجات در سن‌هوا، تایوان (AVRDA) تهیه و برای تسهیل در نامگذاری لاین‌ها و ارزیابی بهتر به هر کدام از

میزان تنوع ژنتیکی، قدم اول در مدیریت مؤثر منابع ژنتیکی و ذخایر توارثی گیاهان می‌باشد و با فهم ساختار ژنتیکی بین گونه‌های مختلف، اصلاحگران قادر به شناسایی و بهره‌برداری بهتر از تنوع در برنامه‌های اصلاحی خواهند بود (Rahai *et al.*, 2003). اولین گام در شناسایی ژنوتیپ‌های مختلف یک گونه، شناسایی خصوصیات مورفولوژیک آن‌ها است. زیرا این ویژگی‌ها به راحتی قابل اندازه‌گیری بوده و کاربرد عملی فراوانی دارند (Razavi, 1998). تنوع مورفولوژیک، حاصل تنوع ژنتیکی یک گیاه در ارتباط با اثرات متقابل ژنتیک و شرایط محیطی است که گیاه در آن رشد می‌کند و این تنوع یک راهنما جهت مطالعه تنوع ژنتیکی است هر چند که به طور مطلق نمی‌توان بر این موضوع پافشاری نمود (Sheikh-Ali, 2002). در تحقیقی هشت توده بومی خیار ایران به همراه یک رقم هیبرید به منظور مطالعه تنوع ژنتیکی بین توده‌ها با استفاده از تجزیه خوشه‌ای و از نظر صفات عملکرد تک بوته، تعداد گل‌های بارده، نسبت گل‌های بارده به گل‌های نر در آغاز مرحله میوه‌دهی، تعداد میوه در تک بوته در هر چین و وزن میوه در هر بوته مورد ارزیابی قرار گرفت. نتایج حاکی از وجود تنوع ژنتیکی زیاد بین رقم شاهد و جمعیت توده‌های داخلی بود و بر اساس دندروگرام حاصل از تجزیه خوشه‌ای رقم شاهد در یک گروه و سایر جمعیت‌ها در گروه دیگر قرار گرفتند (Keshavarz *et al.*, 2006).

Ali-Abadi *et al.* (2008) با استفاده از نشانگرهای

مورفولوژیکی تنوع ژنتیکی بالایی بین سه رقم خیار گلخانه‌ای و سه رقم خیار مزرعه‌ای به دست آمد. آن‌ها ارقام مورد نظر را از نظر صفاتی مانند میزان ماده خشک میوه، درصد خاکستر، میزان پتاسیم، تردی و سفتی بافت میوه مورد ارزیابی قرار دادند. ارقام مورد نظر بر اساس این صفات در سه گروه تقسیم‌بندی شدند.

Golabadi *et al.* (2012) در تحقیقی برای تعیین

فاصله ژنتیکی، ۲۰ ژنوتیپ خیار مناسب برای فرآوری با منشاء جغرافیایی متفاوت از نظر صفات مورفولوژیکی متفاوت مانند عملکرد بوته، تعداد میوه در هر بوته، تعداد

است. بر این اساس لاین‌های A6 و A13 بیشترین طول بوته (۱۸۵ سانتی‌متری) و بیشترین تعداد شاخه فرعی (۱۳ شاخه فرعی) را دارا بودند و لاین‌های A2 و A5 کمترین طول بوته (۷۰ سانتی‌متر) و کمترین تعداد شاخه فرعی (به ترتیب دو و پنج شاخه) را دارا بودند. از نظر زودرسی و زمان ظهور اولین گل ماده، لاین A8 نسبت به سایر لاین‌ها زودرس‌تر بود و ۳۸ روز بعد از کاشت اولین گل‌های ماده در این لاین ظاهر شد. لاین‌های A11 و B9 دیرگل‌تر از سایر لاین‌ها بوده و حدود ۶۵ روز بعد از کاشت تولید گل‌های ماده نمودند. از نظر سطح برگ و وزن خشک برگ، لاین B2 با ۲۰۰/۲۵ سانتی‌متر مربع و ۴/۰۸ گرم به ترتیب بیشترین سطح برگ و وزن خشک برگ را دارا بود و لاین B10 با ۴۹/۸۲ سانتی‌متر مربع و ۰/۵۹ گرم به ترتیب کمترین سطح برگ و وزن خشک را دارا بود. از نظر طول و عرض پاره‌نگ انتهایی برگ لاین‌های A4 و B16 به ترتیب با ۱۲ و ۱۳ سانتی‌متر طول پاره‌نگ انتهایی و ۲۱ و ۲۲ سانتی‌متر عرض پاره‌نگ انتهایی بیشترین طول و عرض پاره‌نگ انتهایی را دارا بودند. از نظر نسبت گل‌ها به گل ماده لاین‌های B10 و B12 با تعداد سه گل ماده در هر گره بیشترین گل ماده در هر گره را دارا بودند. نسبت گل‌های نر به ماده در سایر لاین‌ها برابر و در همه لاین‌ها این نسبت برابر یک بود. از نظر طول میوه لاین‌های A11، A8، B2، B11، A9 و A10 بیشترین طول میوه (۱۰۰-۱۲۰ سانتی‌متر) را دارا بودند و لاین A1 کمترین طول میوه (۵ سانتی‌متر) را دارا بودند.

تجزیه به مؤلفه‌های اصلی بر اساس صفات مورفولوژیکی

با توجه به وجود همبستگی مثبت و معنی‌دار بین بسیاری از صفات مورفولوژیکی به منظور درک بهتر ارتباط بین صفات تجزیه به مؤلفه‌ها انجام شد. بر اساس تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و با توجه به اسکرین گراف و وزن مؤلفه، مؤلفه ۱ تا ۱۲ انتخاب شدند که به ترتیب ۱۸، ۱۲، ۱۱، ۹، ۸، ۶، ۵، ۴/۵، ۴/۷، ۴/۴، ۳/۳ و ۲/۸ درصد و در مجموع ۸۸ درصد از کل واریانس متغیرها را توجیه نمودند (جدول ۲).

لاین‌ها یک کد داده شد. بذور لاین‌های مختلف به روش کشت مستقیم در تاریخ ۹۲/۱/۲۰ در مزرعه پژوهشی دانشکده علوم کشاورزی دانشگاه گیلان کاشته شدند. به منظور تسریع در جوانه‌زنی بذرها آن‌ها را در دستمال مرطوب در داخل پت‌ری‌دیش در دمای ۲۵-۲۰ درجه سانتی‌گراد به مدت ۱۶-۱۲ ساعت در جای گرم و مرطوب قرار دادیم تا عمل پیش جوانه‌زنی انجام شود سپس بذره‌های جوانه‌زده به روش کشت کپه‌ای کشت شد. در طی مرحله داشت عملیاتی از قبیل آبیاری بوته‌ها، مبارزه با علف‌های هرز، آفات و بیماری‌ها صورت گرفت. در طی رشد صفات مختلف بر طبق دستورالعمل ملی آزمون‌های تمایز، یکنواختی و پایداری در خیار تهیه شده توسط مؤسسه تحقیقات ثبت و گواهی بذر و نهال ثبت شدند (Anonymous, 2012). این صفات عبارتند از طول پانزده میانگره اول، سطح برگ با استفاده از پلانیمتر، ترئینات سطح میوه جوان، رنگ ترئینات، پارتنوکاری، طول میوه، شکل غالب میوه در محل اتصال دم در مرحله عرضه به بازار، رنگ زمینه پوست میوه در مرحله عرضه به بازار، وجود شیار در سطح میوه، تلخی برگ لپه‌ای، وجود تلخی در میوه، تعداد گل ماده در هر گره، تیپ رشد، موجدار بودن حاشیه برگ، تاول برگ، شدت رنگ سبز، اندازه پهنک، تعداد شاخه جانبی، قدرت رشد، طول پاره‌نگ انتهایی، عرض پاره‌نگ انتهایی، طول گردن میوه، شدت رنگ زمینه میوه در مرحله عرضه به بازار، وجود یا عدم وجود زگیل روی میوه، طول دم میوه، ضخامت دم میوه، تراکم لکه‌های سطح میوه، وجود شیار در سطح میوه. برای انجام تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و بررسی نحوه پراکنش لاین‌ها با استفاده از نمودارهای دو بعدی و سه بعدی از نرم افزار SPSS استفاده شد. برای انجام تجزیه خوشه‌ای از روش متوسط فاصله بین گروه‌ها (UPGMA) با معیار فاصله اقلیدسی روی داده‌ها با کمک نرم افزار NTSYSpc استفاده شد.

نتایج و بحث

نتایج ارزیابی صفات مختلف در جدول (۱) آورده شده

جدول ۱- برخی از صفات مهم لاین‌های مورد بررسی
Table 1. Some important trait evaluated in lines

طول میوه Fruit lenght	پارتنوکاری Parthenocarpy	رنگ تزیینات Fruit skin texture color	تزیینات سطح میوه جوان Fruit skin texture	زمان ظهور اولین گل ماده (روز از کاشت) First female flower appearance (Day)	سطح برگ (سانتی‌متر مربع) Leaf area (cm ²)	طول پانزده میانگوه اول (سانتی‌متر) Length of 15 nodes (cm)	لاین‌ها Lines
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	54	56	165	(A0) VIO43565
کوتاه (Short)	دارد (present)	سفید (white)	خاردار (with warts)	68	16	180	(A1) VIO33568
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	54	83	100	(A2) VIO39980
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	54	85	120	(A3) VIO43258
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	57	179	160	(A4) VIO44505
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	52	84	70	(A5) VIO33545
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	53	105	180	(A6) VIO33535
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سیاه (white)	خاردار (with warts)	50	115	135	(A7) VIO33567
بلند (Long)	دارد (present)	سفید (white)	خاردار (with warts)	38	99	80	(A8) VIO33557
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	57	96	135	(A9) VIO33554
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	57	79	140	(A10) VIO44523
بلند (Long)	دارد (present)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	65	122	165	(A11) VIO46156
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	50	73	150	(A12) VIO47926
بلند (Long)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	۵۳	121	180	(A13) VIO47036
بلند (Long)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	50	200	140	(B2) VIO44505
کوتاه (Short)	دارد (present)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	50	136	160	(B4) VIO33534
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	50	112	170	(B6) VIO33553
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	52	109	160	(B8) VIO33554
متوسط (Medium)	دارد (present)	سیاه (Black)	خاردار (with warts)	40	121	170	(B9) VIO33541
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سفید (white)	کرکدار (with spines)	65	50	130	(B10) 118
بلند (Long)	ندارد (absent)	سیاه (Black)	کرکدار (with spines)	53	95	170	(B11) 114
متوسط (Medium)	دارد (present)	سفید (white)	کرکدار (with spines)	50	62	130	(B12) 119
کوتاه (Short)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	59	69	165	(B14) VIO33545
متوسط (Medium)	ندارد (absent)	سفید (white)	خاردار (with warts)	57	89	165	(B15) VIO43263
کوتاه (Short)	دارد (present)	سفید (white)	خاردار (with warts)	50	140	130	(B16) VIO339980

ادامه جدول ۱- برخی از صفات مهم لاین‌های مورد بررسی
Table Continue 1. Some important trait evaluated in lines

تیپ رشد Growth habit	تعداد گل ماده در هر گره Number of female flower per nod	وجود تلخی در میوه Bitterness in fruit	تلخی برگ لپه‌ای Bitterness in cotyledons	وجود شیار در سطح میوه Ribes	رنگ زمینه پوست میوه در مرحله عرضه به بازار Secondary fruit skin colour at marketable stage	شکل غالب میوه در محل اتصال دم در مرحله عرضه به بازار Peduncle shape at marketable stage	لاین‌ها Lines
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A0) VIO43565
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	زرد (yellow)	پخ (Flattened)	(A1) VIO33568
محدود (bushy)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A2) VIO39980
محدود (bushy)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A3) VIO43258
نامحدود (prostrate)	1	دارد (present)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A4) VIO44505
محدود (bushy)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A5) VIO33545
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A6) VIO33535
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A7) VIO33567
محدود (bushy)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A8) VIO33557
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A9) VIO33554
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A10) VIO44523
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	گردن‌دار (Crooked neck)	(A11) VIO46156
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	زرد (yellow)	پخ (Flattened)	(A12) VIO47926
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(A13) VIO47036
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B2) VIO44505
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B4) VIO33534
نامحدود (prostrate)	1	دارد (present)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B6) VIO33553
نامحدود (prostrate)	1	دارد (present)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B8) VIO33554
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B9) VIO33541
محدود (bushy)	2	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز تیره (dark green)	گردن‌دار (Crooked neck)	(B10) 118
محدود (bushy)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	گردن‌دار (Crooked neck)	(B11) 114
محدود (bushy)	3	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	سبز تیره (dark green)	گردن‌دار (Crooked neck)	(B12) 119
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B14) VIO33545
نامحدود (prostrate)	1	ندارد (absent)	ندارد (absent)	ندارد (absent)	زرد (yellow)	پخ (Flattened)	(B15) VIO43263
محدود (bushy)	1	ندارد (absent)	دارد (present)	ندارد (absent)	سبز روشن (light green)	پخ (Flattened)	(B16) VIO339980

جدول ۲- نتایج تجزیه به مؤلفه های اصلی
Table 2. Principal component analysis

وزن مؤلفه Eigen value of component	درصد تجمعی واریانس Cumulative percent of variance	درصد واریانس مربوطه Percent of variance	شماره مؤلفه Number of component
6.28	17.97	17.97	1
4.28	30.22	12.25	2
4.00	41.65	11.45	3
3.05	50.41	8.74	4
2.63	57.93	7.52	5
2.14	64.05	6.12	6
1.79	69.18	5.13	7
1.58	73.71	4.53	8
1.50	78.00	4.29	9
1.31	81.77	3.77	10
1.20	85.21	3.44	11
1.00	88.07	2.86	12

و موج دار بودن حاشیه برگ مهم ترین نقش را داشتند. با توجه به نمودار برای پلات (شکل ۱) در مورد لاین B2 و هم چنین تا حدود زیادی در خصوص لاین های A4، B9 و A8 مؤلفه اول نقش زیادی در تبیین تنوع آن ها دارد در حالی که در مورد لاین B11 و لاین A3 مؤلفه دوم نقش زیادی در تبیین واریانس آن ها دارد و در مورد سایر لاین ها نقش دو مؤلفه تقریباً یکسان است. از آنجا که تلاقی لاین هایی که در مناطق مختلف نمودار برای پلات قرار می گیرند قابل توصیه است (Olfati et al., 2010). در برنامه های اصلاحی تلاقی لاین های A4، B2، B9 و A8 با لاین های B11 و A3 برای رسیدن به ترکیبی مناسب از صفات دو مؤلفه قابل توصیه است.

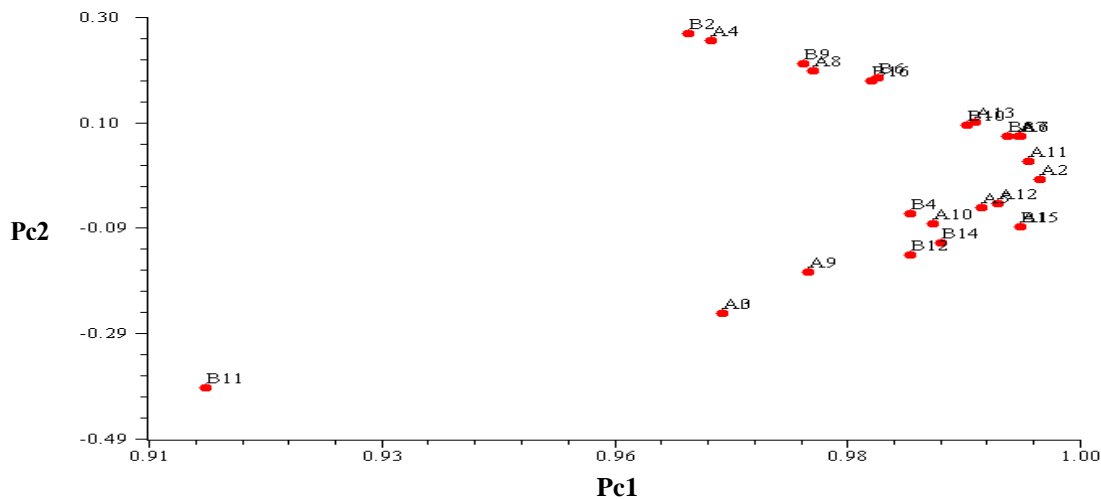
تجزیه خوشه ای

برای انجام تجزیه کلاستر استفاده از روش های مختلف تعیین فاصله با استفاده از نرم افزار NTSYSpc استفاده شد که در بین روش های تعیین فاصله روش فاصله اقلیدسی به عنوان بهترین معیار برای تعیین فاصله بین لاین ها انتخاب شد. برای گروه بندی افراد نیز از روش متوسط فاصله بین گروه ها (UPGMA) که منجر به بیشترین ضریب کوفتیک یعنی انتقال اطلاعات ماتریس فاصله به نمودار شد استفاده گردید. ضریب کوفتیک برای ۲۵ لاین خیار ۰/۸۴۲ بود. که بیانگر انتقال نسبتاً خوب اطلاعات ماتریس فاصله به نمودار است. بر اساس برش دندروگرام (شکل ۲) کلیه لاین ها در هفت گروه دسته بندی شد. این برش بر اساس هدف نهایی آزمایش A3 یعنی انتخاب لاین های مناسب

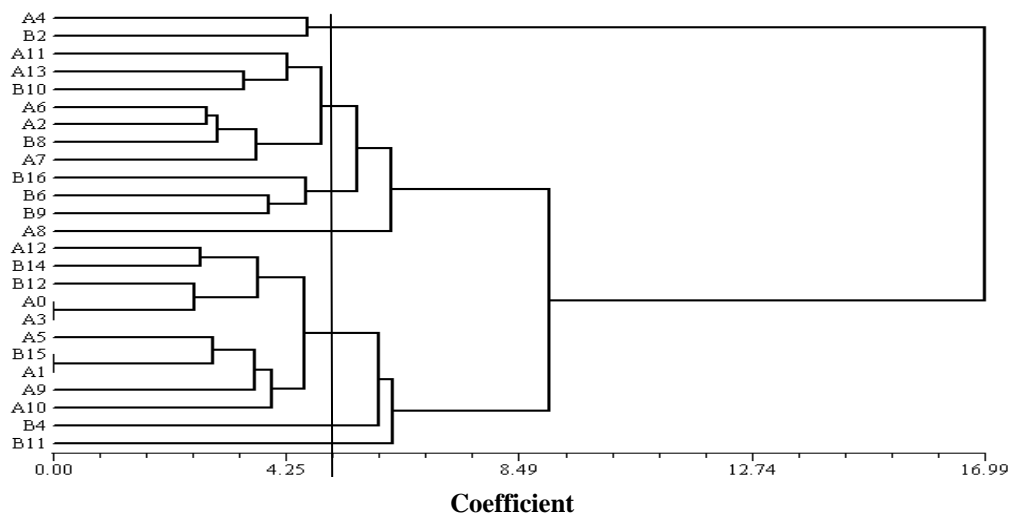
نقش مؤلفه های متعدد در توجیه تنوع موجود حاکی از آن است که صفات مورد بررسی جنبه های متعددی از ژنوتیپ ها را مورد بررسی قرار داده و انتخاب صفات به طور مناسبی برای بررسی تنوع صورت گرفته است و تأیید کننده کارایی دستورالعمل تمایز، یکنواختی و پایداری خیار است (Anonymous, 2012). بزرگی سهم هر مؤلفه در تفکیک بهتر ارقام و اعتبار بالای روابط مشاهده شده تأثیر می گذارد. در صورتی که بین ژنوتیپ ها همبستگی یا مشابهت هایی وجود داشته باشد این مؤلفه قادر خواهد بود تا گروه بندی مناسبی را به وجود آورد و ارقام را در گروه های مجزا تفکیک نماید. در تبیین مؤلفه اول صفات سطح برگ، قدرت رویشی گیاه، طول پارهنگ انتهایی، عرض پارهنگ انتهایی، طول دم میوه مهم ترین نقش را ایفا نمودند. در مؤلفه دوم صفات تلخی برگ های لپه ای، وجود لکه در میوه، ضخامت دم میوه و تلخی میوه مهم ترین نقش را ایفا نمودند. در مؤلفه سوم تعداد زگیل در میوه جوان، وجود شیار در سطح میوه و برجستگی شیارها و در مؤلفه چهارم اندازه پهنک، شدت رنگ سبز برگ، تراکم لکه و رنگ زمینه پوست در زمان رسیدن میوه در مؤلفه پنجم طول میانگرمه شاخه های جانبی، زمان تشکیل گل ماده، محل ظهور گل ماده، تعداد گل ماده در هر گره و پارتوکاری در مؤلفه ششم تظاهر جنسیت در مؤلفه هفتم رنگ تزیینات میوه در مؤلفه هشتم نسبت طول به قطر میوه در مؤلفه نهم تراکم تزیینات سطح میوه در مؤلفه دهم طول میوه در مؤلفه یازدهم تیپ رشد گیاه در مؤلفه دوازدهم تعداد شاخه جانبی

ژنوتیپ‌های مختلف خیار گزارش کردند مطابقت داشت (Golabadi *et al.*, 2012). تنوع اصلی‌ترین ابزار اصلاحی است و اصلاح‌گران در انتخاب ژنوتیپ‌های مادری تلاش می‌کنند تا ترکیب والدینی را به گونه‌ای انتخاب کنند که نتایجی با حداکثر تنوع داشته باشند تا شانس یافتن ترکیب‌های مورد نظر مطلوب افزایش یابد (Olfati *et al.*, 2011). از طریق تجزیه به مؤلفه‌های اصلی هم می‌توان لاین‌های والدینی را به گونه‌ای انتخاب کرد که مکمل یکدیگر باشند و در نتایج آن‌ها انتظار ظهور ژنوتیپ‌هایی با ترکیب صفات مطلوب والدینی را داشته باشیم (Olfati *et al.*, 2010).

برای اجرای یک آزمایش دی‌آلل انجام شد زیرا بهترین تعداد لاین‌های مادری در آزمایش دی‌آلل ۵ تا ۸ والد است. گروه اول شامل لاین‌های B2 و A4 می‌باشد. در گروه دوم لاین‌های B10, A6, A11, A7, A2 و B8 قرار داشتند. گروه سوم شامل لاین‌های B6, B9 و B16 بود. در گروه چهارم فقط لاین A8 قرار گرفت. گروه پنجم شامل لاین‌های B14, A12, A9, A1, A5, B15 و A8 بود. در گروه ششم لاین B4 قرار داشت. گروه هفتم شامل لاین B11 بود. گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها نشان از تنوع قابل توجه در بین آن‌ها داشت. نتایج این تحقیق با نتایج محققینی که تنوع ژنتیکی بالایی را بین



شکل ۱- بای پلات دو مؤلفه اصلی اول برای ژنوتیپ‌های مختلف
Figure 1. Bi-Plot of components for genotypes



شکل ۲- دندروگرام حاصل از تجزیه خوشه‌ای به روش (UPGMA) برای ۲۵ لاین خیار با استفاده از معیار فاصله اقلیدسی
Figure 2. Cluster diagram by using UPGMA and Euclid distances for 25 lines of cucumber

نتیجه‌گیری

نتایج این تحقیق نشان داد که تنوع قابل توجهی در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی وجود دارد که در برنامه‌های اصلاحی آتی قابل استفاده است ضمن این که نتایج روش‌های آماری چندمتغیره راهکارهایی برای تلاقی‌های هدفمند ژنوتیپ‌ها در تحقیقات آتی نشان داد به طوری که ژنوتیپ‌هایی که در گروه‌های مختلف در تجزیه کلاستر قرار گرفتند و دارای ویژگی‌های برتر از نظر مؤلفه‌های

متفاوت بودند را می‌توان برای ایجاد ژنوتیپ‌های نوترکیب با هم تلاقی داد. بر این اساس و با توجه به نتایج تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و تجزیه کلاستر از گروه اول لاین B2، از گروه دوم لاین B10، از گروه سوم لاین B6، از گروه چهارم لاین A8، از گروه پنجم لاین A10، از گروه ششم لاین B4 و نهایتاً از گروه هفتم لاین B11 برای ادامه روند اصلاحی پیشنهاد می‌گردند.

References

- Ali-Abadi, E., Amiri, R. and Lotfy, M. (2012). Inheritance of traits affecting flavor in cucumber and introduction of the best index for flavor breeding. *Seed and Plant Improvement Journal*, 28(1), 1-15.
- Anonymous. (2012). National Guideline for the conduct of tests for distinctness, uniformity and stability of cucumber. Seed and plant certification and registration institute. [In Farsi]
- Chi Zhang, P., Arun, S., Natarajan, S. and Natesan, K. T. (2012). Evaluation of morphological and molecular diversity among south asian germplasms of *Cucumis sativus* and *Cucumis melo*. *International Scholarly Research Notices*, 11, 235-243.
- FAO. (2013). Agrostat database. Retrieved from: <http://apps.fao.org/>.
- Golabadi, M., Golkar, P. and Eghtedary, A. R. (2012). Assessment of genetic variation in cucumber (*cucumis sativus* L.) genotypes. *Journal of Experimental Biology*, 2(5), 1382-1388.
- Keshavarz, S., Bagheri, M., Jafari, P. and Ghanbari, A. A. (2006). Classification of genetic variation in Iran cucumber. *Seed and Plant Improvement Journal*, 29(2), 227-241.
- Olfati, J. A., Samizadeh, H., Peyvast, Gh., Rabie, B. and Khodaparast, S. A. (2010). Parental line selection for cucumber hybrid seed production by principal component analysis. *International Journal of Vegetable Science*, 16(4), 316-325.
- Olfati, J. A., Samizadeh, H., Peyvast, Gh., Rabiei., B. and Khodaparst, S. A. (2011). Relationship between genetic distance and heterosis in cucumber. *International Journal of Plant Breeding*, 6(1), 14-20.
- Rahai, M., Tabatabai, A., Booshahri, B. A., Mishani, R. P. and Malbui, M. E. (2003). Genetic diversity among some chickpea using AFLP. *Journal of Tropical Agriculture*, 41, 253-262.
- Rajiv-Krishna, P., Arunachalam, D. A. and Venkatachalam, R. (2011). Fingerprinting in cucumber and melon (*Cucumis* spp.) genotypes using morphological and ISSR markers. *Journal of Crop Science and Biotechnology*, 14(1), 39-43.
- Razavi, M. (1998). Assessment of genetic variation in olive germplasm collection. M.Sc. Thesis of Horticultural Sciences, University of Tehran, Tehran.
- Sheikh-Ali, M. (2002). Assessment of genetic variation in wheatgrass. M.Sc. Thesis of Horticultural Sciences, University of Guilan, Rasht.

Evaluation of Genetic Variation and Determination of Genetic Distance in Some Cucumber Lines by Principal Component and Cluster Analysis

F. Moradipour¹, J.A. Olfati^{2*}, Y. Hamidoghli³, A. Sabouri⁴ and B. Zahedi⁵

- 1- Ph.D. Graduate of Horticultural Sciences, University Campus 2, University of Guilan, Rasht, Iran
- 2- ***Corresponding Author:** Assistant Professor, Department of Horticultural Sciences, Faculty of Agricultural Sciences, University of Guilan, Rasht, Iran (jamalaliolfati@gmail.com)
- 3- Associate Professor, Department of Horticultural Sciences, Faculty of Agricultural Sciences, University of Guilan, Rasht, Iran
- 4- Assistant Professor, Department of Agronomy and Plant Breeding, Faculty of Agricultural Sciences, University of Guilan, Rasht, Iran
- 5- Assistant Professor, Department of Horticultural Sciences, Faculty of Agricultural Sciences, University of Shahre-Kord, Shahre-Kord, Iran

Received: 9 September, 2015

Accepted: 29 June, 2016

Abstract

Background and Objectives

Identification and collection of superior genotypes in horticultural plants is the first step in breeding programs. In our country, insufficient knowledge about horticultural plants germplasm is the important limiting factor for improving programs on horticultural crops specially cucumber. The aim of this study was grouping of different cucumber genotypes based on some morphological traits and their genetic distances .

Materials and Methods

25 cucumber lines were evaluated by measurement of 25 morphological traits using principal component and cluster analysis. Seed of all lines were obtained from the Asian Vegetable Research and Development Center (Shanhua, Tainwan). To develop transplants cucumber seeds were sown in single plastic pots (12×11 cm) filled with peat in a greenhouse. The loamy sand soil was prepared by plowing and disking. There was a preplanting application of urea nitrogen, 50 kg·ha⁻¹, and 100 kg·ha⁻¹ of phosphorus. The soil was formed into raised beds with rows on 1.2 m centers. Data were collected from 12 plants in a row per plot of each accession and 25 morphological traits were determined.

Results

The result of PCA showed that twenty main factors accounted for %88 of total variance. Contribution of each component to arrangement was 17.97, 12.25, 11.45, 8.74, 7.52, 6.12, 5.13, 4.53, 4.29, 3.77, 3.44, and 2.86 percent of total variance. Cluster analysis based on Euclidean distance and UPGMA was used to cluster the lines. According to the cluster analysis the lines were grouped in 7 clusters and cophenetic coefficient was 0.842.

Discussion

In this research, there was high genetic diversity between the studied lines that can be used for heterosis breeding by parental line selection for crossing to reach suitable cultivars.

Keywords: *Euclidean distance, Cophenetic coefficient, Cucumber breeding*